

# BƯỚC ĐẦU NGHIÊN CỨU ĐA DẠNG DI TRUYỀN Ở MỘT SỐ DÒNG CHÈ SHAN (CAMELLIA SINENSIS VAR. ASSAMICA (MAST) PIERRE SEC. PHAMH) BẰNG KỸ THUẬT RAPD

Nguyễn Thị Thu Hương, Nguyễn Thị Thu Phương, Hoàng Văn Chung, Hoàng Thị Thu Yến

## TÓM TẮT:

RAPD (Random Amplified Polymorphism DNA) là một kỹ thuật sinh học phân tử được sử dụng khá hiệu quả trong việc đánh giá tính đa hình DNA genome của sinh vật. Trong nghiên cứu này, chúng tôi đã sử dụng RAPD để đánh giá tính đa dạng di truyền của một số dòng chè thu thập tại huyện Chợ Mới - Bắc Kạn và huyện Đồng Hỷ - Thái Nguyên. Lá chè được thu về và bảo quản trong tủ lạnh sâu hoặc tiến hành tách chiết ngay DNA. DNA được tách chiết theo phương pháp sử dụng đệm rửa. Sản phẩm DNA có chất lượng tốt, không bị đứt gãy, không bị đổi màu trong quá trình bảo quản, chứng tỏ đã loại sạch các hợp chất polyphenol trong lá chè. Phản ứng RAPD được tiến hành với 8 môi ngẫu nhiên có độ dài 10 nucleotide. Đó là các môi: RA31, RA32, RA36, RA40, RA45, RA46, RA142, RA159. Có 77 phân đoạn DNA ngẫu nhiên được nhân bản, trong đó 100% số phân đoạn đều đa hình. Các phân đoạn có chiều dài ước tính từ 0,2 kb đến 3,0 kb. Số liệu được xử lý trên chương trình phần mềm NTSYSpc version 2.0, với qui ước số 1 - xuất hiện phân đoạn DNA, số 0 - không xuất hiện phân đoạn DNA. Sơ đồ hình cây được chia làm 2 nhóm. Nhóm 1 chỉ có dòng YH01, có hệ số sai khác so với các dòng còn lại là 0,47. Nhóm 2 gồm 9 dòng còn lại trong đó dòng BV02 và BV21 có quan hệ gần gũi nhất với hệ số di truyền là 0,8023.