

NHÂN GEN MÃ HÓA rRNA 18S Ở 2 DÒNG CHÈ SHAN (CAMELLIA SINENSIS VAR. ASSAMICA (MAST) PIERRE SEC. PHAMH) BV04 VÀ BV19

Hoàng Thị Thu Yến, Nguyễn Thị Huế, Nguyễn Thị Thu Hương, Nghiêm Thị Nhật, Hoàng Văn Chung

TÓM TẮT:

Ở Việt Nam, các công trình nghiên cứu về cây chè chủ yếu đi sâu nghiên cứu đặc tính hoá sinh, đặc điểm hình thái, giải phẫu thân, lá, đặc điểm sinh trưởng, phát triển, năng suất, chất lượng chè. Việc ứng dụng các kỹ thuật sinh học phân tử vào việc đánh giá hệ gen của cây chè trong chọn tạo giống cây trồng còn là vấn đề mới mẻ. Trong nghiên cứu trước, chúng tôi đã đánh giá sự đa dạng di truyền của 10 dòng chè thu được từ Chợ Mới – Bắc Kạn và Đồng Hỷ - Thái Nguyên bằng kỹ thuật RAPD. Bài báo này, chúng tôi tiến hành tách chiết DNA tổng số từ lá của 2 dòng chè shan BV04 và BV19 (Chợ Mới-Bắc Kạn). ADN được tách chiết theo phương pháp có sử dụng đệm rửa, chất lượng tốt, không bị đứt gãy. Sau đó, khuếch đại gen mã hóa rRNA 18S từ DNA tổng số. Sản phẩm PCR được phân tích bằng enzyme giới hạn BamHI. Kết quả cho thấy không có sự khác biệt về trình tự nhận biết của enzyme BamHI ở 2 dòng chè shan nghiên cứu.