

TẠO DÒNG VÀ XÁC ĐỊNH TRÌNH TỰ CDNA MÃ HÓA PROTEIN RAB7 LIÊN QUAN ĐẾN CƠ CHẾ NHIỄM VIRUS GÂY BỆNH ĐỐM TRẮNG Ở TÔM SÚ (PENAEUS MONODON)

Hoàng Thị Thu Yến, Kim Thị Phương Oanh, Trần Trung Thành, Phạm Anh Tuấn, Nông Văn Hải
TÓM TẮT:

Các bệnh gây ra do virus là thách thức lớn nhất đối với nghề nuôi tôm trên toàn thế giới, đặc biệt là bệnh do virus đốm trắng (White Spots Syndrome Virus - WSSV). Do đó, vấn đề được quan tâm là tìm hiểu các yếu tố liên quan đến khả năng miễn dịch của tôm. Trong các yếu tố này, Rab7 là một loại GTPase protein, tương tác với VP28 (một loại protein chủ yếu ở vỏ của WSSV) và liên quan đến cơ chế xâm nhiễm của virus vào tôm. Chúng tôi đã tiến hành phân lập và xác định trình tự cDNA mã hóa protein Rab7. Gen Rab7 có chiều dài 618 bp, mã hóa cho 205 amino acid. Kết quả so sánh trình nucleotide cho thấy gen Rab7 có 4 vị trí nucleotide sai khác so với trình tự công bố trên GenBank (mã số DQ231062): 318 T®C, 423 A®G, 490 T®C và 537 A®G. Sự sai khác trong trình tự nucleotide này không làm thay đổi trình tự amino acid so với trình tự công bố. Trình tự của chúng tôi đã được đăng ký trên GenBank với mã số HQ128578. Đoạn cDNA mã hóa Rab7 mà chúng tôi phân lập được là nguyên liệu tốt phục vụ cho những nghiên cứu tiếp theo nhằm làm sáng tỏ chức năng của protein này.