

NGHIÊN CỨU QUAN HỆ DI TRUYỀN TÔM SÚ (PENAEUS MONODON) BẰNG KỸ THUẬT RAPD

Nguyễn Thị Thu Phương, Nguyễn Phú Hùng, Hoàng Thi Thu Yến

TÓM TẮT:

RAPD (Random Amplified Polymorphic - DNA) là một trong những kỹ thuật được sử dụng trong phân tích đa dạng, bảo tồn và nhận dạng giống loài. Trong đề tài này chúng tôi sử dụng kỹ thuật RAPD để xác định quan hệ di truyền của các mẫu tôm sú thu thập ở một số tỉnh: Nam Định, Quảng Ninh, Hải phòng và Thanh Hóa. Mẫu tôm thu được bảo quản trong cồn 98 % và lưu giữ ở - 200C. Sử dụng kỹ thuật RAPD để phân tích quan hệ di truyền của tôm sú với 6 môi ngẫu nhiên: RA36, RA40, RA143, RA142, RA45, kết quả nhận được 45 phân đoạn đa hình trong 54 phân đoạn ngẫu nhiên với kích thước ước tính từ 0.35 – 3.0kb. Kết quả xử lý bằng phần mềm NTSYS version 2.0, cho thấy 8 mẫu tôm được chia làm hai nhóm chính với hệ số sai khác là 0,17. Nhóm chính còn lại bao gồm 7 mẫu tôm còn lại.