

TẠO DÒNG VÀ XÁC ĐỊNH TRÌNH TỰ CDNA MÃ HÓA PROTEIN ANTIVIRUS LIÊN QUAN ĐẾN CƠ CHẾ KHÁNG VIRUS Ở TÔM SÚ (PENAEUS MONODON)

Hoàng Thị Thu Yến, Kim Thị Phương Oanh, Phạm Anh Tuấn, Nông Văn Hải

TÓM TẮT:

Các bệnh gây ra do virus là thách thức lớn nhất đối với nghề nuôi tôm trên toàn thế giới, đặc biệt là bệnh do virus gây hội chứng đốm trắng (White Spots Syndrome Virus- WSSV). Hiện nay vẫn chưa có biện pháp để kiểm soát WSSV khi dịch bệnh tôm xảy ra. Do đó, các gen thực hiện chức năng liên quan đến khả năng miễn dịch của tôm được đặc biệt quan tâm nghiên cứu. Trong đó antivirus là gen đầu tiên liên quan đến khả năng kháng virus gây hội chứng đốm trắng đã được công bố ở tôm sú (PmAV). Trong nghiên cứu này, chúng tôi đã tiến hành tạo dòng và xác định trình tự cDNA đầy đủ mã hóa protein antivirus PmAV. Gen antivirus có chiều dài 513 bp, mã hóa cho 170 amino acid. Kết quả so sánh trình nucleotide của gen antivirus cho thấy không có sự sai khác về trình tự nucleotide so với trình tự gen PmAV đã công bố trên GenBank (mã số GenBank tương ứng: AY302750, DQ641258 và HM034318). Trình tự gen PmAV của chúng tôi phân lập đã được đăng ký trên GenBank với mã số HQ662559. Đoạn cDNA mã hóa antivirus mà chúng tôi phân lập được là nguyên liệu có thể phục vụ cho những nghiên cứu tiếp theo nhằm làm sáng tỏ chức năng của protein này.