

# NGHIÊN CỨU MỐI QUAN HỆ DI TRUYỀN CỦA MỘT SỐ GIỐNG ĐẬU XANH VIGNA RADIATA L WILCZEK BẰNG KỸ THUẬT RAPD

Nguyễn Vũ Thanh Thanh, Hoàng Thị Thao, Đỗ Tiến Phát, Chu Hoàng Mậu

## TÓM TẮT:

Sử dụng chỉ thị RAPD với 10 môi ngẫu nhiên để phân tích sự đa dạng di truyền của 30 giống đậu xanh, [*Vigna radiata* (L.) Wilczek]. Kết quả nghiên cứu cho thấy, cả 10 môi đều thể hiện tính đa hình. Tổng số phân đoạn DNA được nhân bản khi phân tích 10 môi ngẫu nhiên là 105 phân đoạn. Khoảng cách di truyền và biểu đồ hình cây được thiết lập nhờ phương pháp UPGMA, kết quả cho thấy 30 giống đậu xanh được chia thành 2 nhóm có hệ số tương đồng di truyền là 67%; nhóm I bao gồm 2 giống là: T6 và T9, nhóm II gồm 28 giống còn lại là: T1, T2, T3, T4, T5, T7, T8, T10, T11, T12, T13, T14, T15, T16, T17, T18, T19, T20, T21, T22, T23, T24, T25, T26, T27, T28, T29, T30.